Institut für Humangenetik, UR
Prof. Dr. Dr. med. Davor Lessel
Facharzt für Humangenetik

in Kooperation mit

Praxis für Humangenetik
Dr. med. Ines Schönbuchner
Fachärztin für Humangenetik

Gen-Panel

Hypertrophe Kardiomyopathie (HCM)

ABCC9, ACTC1, ACTN2, ALPK3, BAG3, CACNA1C, CAV3, COX15, CRYAB, CSRP3, DES,FHL1, FHOD3, FLNC, FXN, GAA, GLA, JPH2, LAMP2, LDB3, MYBPC3, MYH7, MYL2, MYL3, MYO6, PLN, PRKAG2, PTPN11, RAF1, RIT1, SLC25A4, TNNC1, TNNI3, TNNT2, TPM1, TTR

Hypertrophe Kardiomyopathie (HCM) erweitert

ABCC9, ACTC1, ACTN2, ALPK3, ANKRD1, BAG3, CACNA1C, CALR3, CAV3, COX15, CRYAB, CSRP3, DES, FHL1, FHOD3, FLNC, FXN, GAA, GLA, JPH2, KLF10, LAMP2, LDB3, MYBPC3, MYH6, MYH7, MYL2, MYL3, MYLK2, MYO6, MYOM1, MYOZ2, MYPN, NEXN, OBSCN, PDLIM3, PLN, PRKAG2, PTPN11, RAF1, RIT1, RYR2, SLC25A4, TCAP, TNNC1, TNNI3, TNNT2, TPM1, TRIM63, TTN, VCL

mtDNA

MT-ATP6, MT-ATP8, MT-CO1, MT-CO2, MT-CO3, MT-CYB, MT-ND1, MT-ND2, MT-ND3, MT-ND4, MT-ND4L, MT-ND5, MT-ND6, MT-RNR1, MT-RNR2, MT-TA, MT-TC, MT-TD, MT-TE, MT-TF, MT-TG, MT-TH, MT-TI, MT-TK, MT-TL1, MT-TL2, MT-TM, MT-TN, MT-TP, MT-TQ, MT-TR, MT-TS1, MT-TS2, MT-TT, MT-TV, MT-TW, MT-TY

Untersuchungstechnik	Anweisung	Gerät	CE-Verfahren	In-House-Verfahren
Sequencing-by synthesis, Sanger-Sequenzierung, MLPA	6.2.26 AM Agilent SureSelect Max, 6.2.24 AM Datenanalyse Dragen Workflow, 6.2.23 AM Auswertung mit Emedgene, 6.2.27 AM Variantenbewertung, 6.1.15 AG Illumina NextSeq, 6.1.16 AG Illumina NovaSeq, 6.2.9 AM MLPA, 6.2.3 AM PCR, 6.2.6 AM Durchführung einer genetischen Untersuchung mittels Sanger-Sequenzierung, 6.1.2 AG Sequenzierer	Illumina NextSeq 550, Illumina NovaSeq X Plus, ABI SeqStudio Flex 8	nein	ja

Panel zur Erkrankung	Anzahl Gene	etabliert seit	aktuelle Version	Freigabe-Datum der Version
Hypertrophe Kardiomyopathie	73 Gene	05.02.2019	C	19.09.2025
Hypertrophe Kardiomyopathie erweitert	88 Gene	02.04.2026	A	02.04.2026

Alle Analyte sind flexibel akkreditiert und erfüllen die Anforderungen der EA (European Accredidation) bzw. DAkkS (Deutsche Akkreditierungsstelle) an die Akkreditierung flexibler Geltungsbereiche.