Fachärztin für Humangenetik

in Kooperation mit

## Institut für Humangenetik, UR Prof. Dr. Dr. med. Davor Lessel Facharzt für Humangenetik



4.7.4-28 VA | Version B | 04.11.2024 | CM

## Gesamtpanel

**HNPCC** 

MLH1, MSH2, MSH6, PMS2

## **Subpanels**

Subpanel HNPCC (MLH1, PMS2)

MLH1, PMS2

## Subpanel HNPCC (MSH2, MSH6)

MSH2, MSH6

Untersuchungstechnik	Anweisung Version	Gerät	CE-	In-House-
			Verfahren	Verfahren
Sequencing-by	6.2.18 AM Agilent Sure Select QXT	Illumina	nein ja	
synthesis, Sanger-	Version G, 6.2.3 AM PCR Version F,	NextSeq		
Sequenzierung, MLPA	6.2.6 AM Durchführung einer 550, Illumir			
	genetischen Untersuchung mittels	NovaSeq X		
	Sanger-Sequenzierung Version G,	Plus, ABI		
	6.1.2 AG Sequenzierer Version F,	SeqStudio		
	6.2.16 AM Auswertung und	Flex 8		
	Bereitstellung der NGS-Daten Version			
	H, 6.2.17 AM Beurteilung der			
	zusammengestellten Next			
	Generation Sequencing Daten			
	Version G, 6.1.15 AG Illumina			
	NextSeq Version C, 6.1.2 AG			
	Sequenzierer Version F, 6.2.9 AM			
	MLPA Version H			

Panel zur Erkrankung	Anzahl	etabliert	aktuelle	Freigabe-Datum d.
		seit	Version	Version
HNPCC	Hauptpanel (4	11.09.2017	Α	11.09.2017
	Gene)			
HNPCC (MLH1,	Sub-Panel (2 Gene)	11.09.2017	Α	11.09.2017
PMS2)				
HNPCC (MSH2,	Sub-Panel (2 Gene)	11.09.2017	Α	11.09.2017
MSH6)				

Alle Analyte sind flexibel akkreditiert und erfüllen die Anforderungen der EA (European Accredidation) bzw. DAkkS (Deutsche Akkreditierungsstelle) an die Akkreditierung flexibler Geltungsbereiche.

