

Gen-Panel

Nichtsyndromale Hörstörungen

ACTG1, ADCY1, AIFM1, ANKH, ATP2B2, BDP1, CABP2, CCDC50, CD164, CDC14A, CEACAM16, CIB2, CLDN14, CLDN9, CLIC5, COCH, COL11A1, COL11A2, COL4A6, CRYM, DCDC2, DIABLO, DIAPH1, DIAPH3, DMXL2, DSPP, ELMOD3, EPS8, EPS8L2, ESPN, ESRP1, ESRRB, EYA4, FOXI1, GAB1, GIPC3, GJB2, GJB3, GJB6, GPRASP2, GRAP, GRHL2, GRXCR1, GRXCR2, GSDME, HGF, HOMER2, IFNLR1, ILDR1, KARS1, KCNQ4, KITLG, LHFPL5, LMX1A, LOXHD1, LRTOMT, MAP1B, MARVELD2, MCM2, MET, MPZL2, MSRB3, MYH14, MYO15A, MYO3A, MYO6, MYO7A, NARS2, NDP, NLRP3, OSBPL2, OTOA, OTOF, OTOG, OTOGL, P2RX2, PCDH15, PDE1C, PDZD7, PJVK, PLS1, PNPT1, POU3F4, POU4F3, PPIP5K2, PRPS1, PTPRQ, RDX, REST, RIPOR2, ROR1, S1PR2, SCD5, SERPINB6, SLC12A2, SLC17A8, SLC26A5, SLC44A4, SLITRK6, SMPX, SPNS2, STRC, SYNE4, TBC1D24, TECTA, TMC1, TMEM132E, TMIE, TMPRSS3, TNC, TPRN, TRIOBP, TRRAP, TSPEAR, USH1C, WBP2, WHRN

Untersuchungstechnik	Anweisung Version	Gerät	CE-Verfahren	In-House-Verfahren
Sequencing-by-synthesis, Sanger-Sequenzierung, MLPA	6.2.22 AM Agilent CREv4 Exom Ansatz Version A, 6.2.3 AM PCR Version F, 6.2.6 AM Durchführung einer genetischen Untersuchung mittels Sanger-Sequenzierung Version G, 6.1.2 AG Sequenzierer Version F, 6.2.24 AM Datenanalyse Dragen Workflow Version A, 6.2.23 AM Auswertung mit Emedgene Version A, 6.1.16 AG Illumina NovaSeq Version A, 6.1.2 AG Sequenzierer Version F, 6.2.9 AM MLPA Version H	Illumina NextSeq 550, Illumina NovaSeq X Plus, ABI SeqStudio Flex 8	nein	ja

Panel zur Erkrankung	Anzahl	etabliert seit	aktuelle Version	Freigabe-Datum d. Version
Nichtsyndromale Hörstörungen	117 Gene	26.01.2020	C	08.03.2023

Alle Analyte sind flexibel akkreditiert und erfüllen die Anforderungen der EA (European Accreditation) bzw. DAkKS (Deutsche Akkreditierungsstelle) an die Akkreditierung flexibler Geltungsbereiche.